

## PRIMA PARTE

1. **[5 punti]** Si definisca come problema computazionale il problema di verificare se il minimo di un array  $A$  di interi è minore di un dato intero  $x$ .
2. **[6 punti]** Sia  $T$  un testo di lunghezza  $n$  e  $P$  un pattern di lunghezza  $m < n$ .
  - (a) Descrivere tramite pseudocodice l'algoritmo di pattern matching di Knuth, Morris e Pratt (KMPMatch).
  - (b) Dimostrare che tale algoritmo ha complessità  $O(n)$ , assumendo, senza dimostrarlo, che la failure function si calcola in tempo  $O(m)$ .
3. **[5 punti]** Si consideri uno heap rappresentato da un array  $P[1 \div 10]$  contenente 10 entry con chiavi distinte. Quante entry sappiamo con certezza che avranno chiave maggiore di quella di  $P[2]$ ? Motivare la risposta.

## SECONDA PARTE

1. [7 punti] Sia  $S = S[1], S[2], \dots, S[n]$  una sequenza di  $n$  bit dove vengono prima gli 0 e poi gli 1. Il seguente algoritmo restituisce l'indice massimo  $i$  per cui  $S[i] = 0$  (tale indice è -1 se  $S$  contiene tutti 1).

```

if (S[1]=1) then return -1
if (S[n]=0) then return n
i ← 1; j ← n;
while i < j-1 do {
    k ← ⌊(i+j)/2⌋
    if (S[k]=0) then i ← k else j ← k
}
return i

```

Si osservi che quando  $i < j - 1$  si ha che  $i < \lfloor (i + j)/2 \rfloor < j$ .

- (a) Trovare un opportuno invariante per il ciclo.
- (b) Supponendo che l'invariante trovato valga alla fine dell'ultima iterazione, dimostrare che l'algoritmo è corretto.
2. [8 punti] Si consideri un albero  $T$  in cui ogni nodo  $v$  contiene un valore binario (restituito da  $v.\text{getElement}()$ ) e si dice *alive* se tale valore è 1, e *dead* se esso è 0. Progettare un algoritmo ricorsivo `allLiveAncestors` che per ogni nodo  $v \in T$  memorizzi in un campo  $v.\text{liveAncestors}$  il numero di antenati *alive* di  $v$ . Detta `allLiveAncestors(T,v)` la generica invocazione su un nodo  $v \in T$ , per risolvere il problema si eseguirà `allLiveAncestors(T,T.root())`.
- (a) Descrivere tramite pseudocodice `allLiveAncestors(T,v)`, specificandone con attenzione l'input e l'output.
- (b) Analizzare la complessità di `allLiveAncestors(T,T.root())` in funzione del numero  $n$  di nodi in  $T$ .

**TEMPO COMPLESSIVO A DISPOSIZIONE: 1.5 ore**